I'm not robot
reCAPTCHA
Continue

Mastering biology chapter 17 homework answers

Dažas programmas Word funkcijas nevar parādīt Google dokumentus un, ja veiksit izmaiņas, tās tiks uziemaitamasSkatītiduni 11) Kura no šīm tulkojuma versijām būtu visvairāk atņemta šūnai? A) caurspīdīgu polipeptīdus tieši no DNS B) ar mazākiem TRNA C tipiem) ar mazākiem TRNA C tipiem) ar tikai vienas pieturas kodona D) mRNS E eliminācijas pusperioda pagarināšanu), kas kā otrās kodona (papildus AUG) kodona sākumu22) Garrods ir hipotēze, ka jaundzimušajām metabolisma kļūdām, piemēram, alkaptonūrija rodas kā alkaptonūrija, jo A) vielmaiņas enzīmiem ir nepieciešami vitamīnu līdzkoadītāji, un skartajiem indivīdiem ir būtiski uztura trūkumi. B) Fermenti ir izgatavoti no DNS un skartajiem indivīdiem trūkst DNS polimerāzes. C) Daudzi vielmaiņas enzīmi izmanto DNS kā kofaktoru, un skartajiem indivīdiem ir mutācijas, kas novērš efektīvu mijiedarbību to enzīmu dns. D) dažas vielmaiņas reakcijas tiek veiktas ar ribosom, un skarto indivīdu nav galvenie splicing faktori. E) gēni kavē specifisku enzīmu veidošanos, un skartajiem indivīdiem ir ģenētiski defekti, kas neizraisa noteiktus enzīmus.33) Garrod informācija par izmaiņām fermentos, kas izraisīja alkaptonūriju, ir izraisījusi turpmāku izskaidrošanu cilvēkiem tajā pašā ceļā. Fenilketonūrīja (PKU) rodas, ja ceļā tiek izmainīts cits enzīms vai tā trūkst, kā rezultātā radās fenilalolīna (phe) neveiksme, kas tiek metabolizēta citā aminoskābē: tirozīnā. Tirozīns ir iepriekšējais substrāts pa ceļu, modificēts alkaptonuria. Kā PKU var ietekmēt alkaptonūrijas klātbūtni vai neesamību?) Tas neietekmētu, jo PKU parādās dažus soļus pa ceļu. B) Tas nebūtu spēkā, jo tirozīns ir pieejams arī no uztura. C) Ikvienam ar PKU jābūt arī alkaptonūrija. D) Ikviens, kurš pku ir dzimis ar tendenci vēlāk alkaptonūrija. E) Ikviens, kurš ir PKU vieglas simptomi alkaptonuria.44) Slāpekļa bāzes adenīns ir atrodams visiem locekļiem, kuras grupā? A) Olbaltumvielas, Trigliceridu un testosterona B) olbaltumvielas, ATP un DNS C) ATP, RNS un DNS D) q glikozes, ATP un DNS E) olbaltumvielas, ogļhidrāti un ATP55) Īpašas threesome bāzes zem DNS veidni ir 5 'AGT 3. Atbilstošais transkribētā mRNS koda kods ir A) 3' UCA 5. B) 3' UGA 5'. C) 5' TCA 3. D) 3' ACU 5. E) vai nu UCA vai TCA, atkarībā no grīļošanās pirmajā bāzē.66) Ģenētiskais kods būtībā ir tāds pats visiem organismiem. No tā mēs varam loģiski pieņemt, kurš no siem? A) Gēns no organisma teorētiski var izteikt jebkuru citu organismu. B) Visi organismi ir piedzīvojuši konverģentu evolūciju. C) DNS bija pirmais ģenētiskais materiāls. D) Tie paši kodņi dažādos organismos ir eņģēm uz dažādām aminoskābēm. E) Dažādiem organismiem ir dažāda veida aminoskābju skaits.77) Tagad ir zināms, ka universālajam ģenētiskajam kodam ir izņēmumi. Pierādījumus par to var atrast, ja tā ir taisnība? a) Ja UGA, pārtraukt co-ord, ir konstatēts, ka kods aminoskābes, piemēram, triptofānu (parasti kods tikai UGG). B) Ja vienas pieturas kodonu, piemēram, UGA, atrod atšķirīgu ietekmi uz tulkojumu nekā otrās pieturas codon, piemēram, UAA. C) Ja prokariotu organismi var tulkot euitisku mRNS un ražot to pašu polipeptīdu. D) Ja vairāk nekā viens codene ir konstatēts tulkot tajā pašā aminoskābē kā serīns. E) Ja tiek konstatēts, ka viena mRNS molekula nozīmē vairāk nekā vienu polipeptīdu, ja ir divi vai vairāki aug.88) Kurš no šādiem tērauda trijotnes vislabāk pārstāv cotan? A) threesome, kas ir telpiski atdalīta no citiem triplets B) threesome, kas nav atbilstošu aminoskābju C) threesome pie pretējā galā tRNS no aminoskābju piestiprināšanas vietā D) pašu rāmi nod aug e) secība u tRNS līdz 3 end99) Kad marķieris sniedz dažus pierādījumus, ka RNS, najvjeromasnia, ir izstrādājusi DNS sveķi? A) RNS polimerāze izmanto DNS kā veidni. B) RNS polimerāze padara vienu balasta molekulu. C) RNS polimerāzei nav nepieciešama lokalizēta DNS unsuperizācija. D) DNS polimerāzes izmanto piemērs parasti izgatavoti no RNS. E) DNS polimerāze ir lekarosis funkcija.1010) Kurš no šādiem apgalvojumiem vislabāk raksturo izbeigšanu transkripcijas prokaryote? A) RNS polimerāzes transkripts ar poliadiilā signālu, izraisot olbaltumvielu saistīšanu ar transkripcijas un izgriezt bez polimerāzes. B) RNS polimerāzes tiek transhipered ar terminator sekvenci, kā rezultātā polimerāzes tiek atdalītas no DNS un atbrīvo ar transkriptu. C) RNS polimerāzes transkripcija caur intronu, un snRNP izraisa polimerāzi izdalīšanos. D) Kad transkripcija sākas, RNS polimerāze ir transcrivered līdz tas sasniedz beigām hromosomu. E) RNS polimerāzes transcribes caur stop cocon, izraisot polimerāzes pārtraukt virzās caur gēnu un atbrīvot mRNS.1111) Kas no šādiem nenotiek prokaryogenic ģenētisko ekspresiju, bet eikagoģēno ģenētisko ekspresiju? A) MRNA, tRNS un rRNS pārraksta. B) RNS polimerāze der kronšteinu. C) MRNS 3 galā pievienojet poli-A asti un visbeidzot pievienojet vāciņu. D) Transkripcija var sākties, tikīdz tulkojums sākas pat nedaudz. E) RNS polimerāzes prasa pieměru ossuating molekulas.1212) RNS polimerāzes prokanyote sastāv no vairākām subosomas. Lielākā daļa no šiem apakšotēm ir tāds pats kopēšanai jebkuru gēnu, bet viens, kas pazīstams kā sigma, ievērojami atšķiras. Kura no šīm darbībām ir visticamākā priekšrocība šādas sigma pārslēgšanas organismam? A) Tas var ļaut pārrakstīšanas procesam atšķirties no vienas šūnas uz citu. B) Polimerāze noteiktos vides apstākļos var identificēt dažādus pārvadītājus. C) Polimerāzes var reaģēt atšķirīgi uz katru pieturas kodeku. D) Tas varētu ļaut ātrāk sastāvu riboomimu poomites. Var mainīt tulkošanas ātrumu un eksona splicing.1313) Kura no šīm funkcijām ir poly-A signāla secības funkcija?) Pēc 3 'end mRNS pievieno poly-A asti. B) Secības kods eukaryotic transkripcijas, kas signalizē fermentatīvo šķelšanos ~ 10•35 steelotides prom. C) Ļauj mRNS 3 beigas pievienot ribosomai. D) Šī ir secība, kas kodi hidrolīzes RNS polimerāzes. E) Pievieno 7-metilguanozīna vāciņu eukariotam pie 3' end mRNS.1414) Ir vairāki dažādi RNS polimerāzes veidi eukariotā. Kāda veida ir iekļauts mRNS transkripts olbaltumvielu dziļumu? A) līgazes B) RNS polimerāzes I C) RNS polimerāzes II D) RNS polimerāzes III E) primaze1515) Transkripcija eukariotos nepieciešams, ko par nākamo papildus RNS polimerāzei? A) Olbaltumvielu produktu veicinātājs B) sākas un apstājas mencu c) ribosomas un tRNS D) vairāki transkripcijas faktori (TFs) E) aminoakrilāta sintēze1616) Daļa no veicinātāja, ko sauc TATA kaste, esot ļoti jāsaglabā attīstībā. Ko tas var ilustrēt? A) Secība attīstās ļoti ātri. B) Secība nav Muti. C) Katra secības mutācija tiek izvēlēta pret. D) Secība ir atrodama daudzos, bet ne visos sējumos. E) Secība ir pārrakstīts sākumā katra gene.1717) TATA SECĪBA ir atrodams tikai dažī steelotides prom no sākotnējās transkripcijas vietā. Tas, visticamāk, attiecas uz to, kas nākamais ir? A) uderaža saišu skaits starp A un T DNS B) triskārša raksturs kodēta C) spēja šīs secības, lai izveidotu savienojumu ar sākotnējo siteD) supercoothing DNS pie sākotnējā vietā E) 3-D forma DNS molekula1818) Kas ir ribozīm? A) enzīms, kas izmanto RNS kā B substrātu) RNS ar fermentatīvo aktivitāti C) ferments, kas kataklizē saistību starp lielu un mazu riboomi podomy dooms D) enzīmu, kas sintezē RNS kā daļu no E kopēšanas procesa) fermentus, kas sintezē RNS paraugus DNS replikācijai no laika apstākļu replikācija1919) Transkripcijas vieniba 8000 tērauda cellozīda tv var gūt labumu no 1200 jekleotīda, lai ārsttēju proteīnu, kas sastāv no aptuveni 400 aminoskābēm. Vislabāk to var izskaidrot ar to, ka A) daudzas mRNS esošās steelotides nesaistītās daļas. B) ģenētiskajā kodā ir pārmērīgs un neskaidrība. C) katras aminoskābes kodam ir nepieciešams daudz steelotides. D) steelotides break off un tiek zaudēti transkripcijas procesā. E) Vai ir pārtraukums exons pie sākuma mRNS.2020) Laikā splicing, kas molekulāro komponentu spliceosom katalizē reakciju izgriešanas? A) B proteīns) DNS C) RNS D) lipīdu E) cukurs2121) Alternatīva RNS splicing A) ir mehānisms, lai palielinātu transkripcijas ātrumu. B) var atļaut ražot dažādu izmēru olbaltumvielas no vienas mRNS. C) var ļaut ražot līdzīgu olbaltumvielu no dažādām RNS. D) palielina transkripcijas ātrumu. E) ir saistīts ar vai nav īpašu snRNP.2222) Daudzu eukariotu gēnu strukturālajā organizācijā atsevišķas eksona var būt saistītas ar kādu no šiem? A) introna secība, kas tieši pirms katras eksona B) polipeptīdu, kas satur funkcionālos proteīnus C) dažādu

polipeptīdu produktu domēnu D) ierobežojošo enzīmu E griešanas laukumu skaits) transkripcijas sākuma punktu skaits 2323) Eksperimentālā situācijā studentu pētnieks strādā ar MRNS u eikaiotisko molekulu pēc vāciņa noņemšanas no 5' un poli- A astes. Ko jūs sagaidāt, lai viņš atradīs? A) Mrna nevarēja izstāties no tulkojamā tērauda. B) Šūna atpazīst astes un polyadeclyes mRNS neesamību. C) Molekulu sagremo fermenti, kas ierobežo ūdens. D) Molekula ir sagremota ar eksonucleases, jo tas vairs nav aizsargāts pie 5 'end. E) Molekula saistās ar riboomu un tiek tulkota, bet lēnāk.24 Izmantojiet nākamo eukaryotics grammas modeli, lai atbildētu uz šādiem jautājumiem. 5' UTR E E E E E E ₁ I₃ E₄ UTR 3' 24) Kuras iepriekšējās molekulas sastāvdaļas būs atrodamas arī mRNS citozolā? A) 5' UTR I 4 I ₁ I₃ UTR 3' B) 5' E E E E ₄ E₄ 3' C) 5' UTR E E E ₃ E₄ 3' D) 5 I e ₃ 3' E) 5' E E E E E E E E₁ E E ₃ E₄ 3'25Upoter eukaryotik transcript to a few questions. 5' UTR E E E E E₁ I₃ E₄ UTR 3' 25) Ja spliceosom saistās ar šīs struktūras elementiem, kur to var pievienot? A) Iīdz rezultātiem B) Iīdz 5 UTR C) Iīdz 3' UTR D) blakus esošajiem intron un exon E) Iīdz intron26Usli beigām nākamais eukaryotical transkripcijas modelis, lai atbildētu uz šādiem dažiem jautājumiem. 5' UTR E E E E E E ₁ I₃ E₄ UTR 3' 26) Kāda no šīm īpašībām ir šim modelim noderīga intronu īpašība? A) Tie ir tulkoti mazos polipeptīdos. B) Tie kļūst par daļu no SNRNP. C) Katram intronam ir fermentatīvas īpašības. D) Intros [auj eksons ir shuffled. E) Intros aizsargāt struktūru exon.27Ū nākamais eukaryotic transkripcijas modelis atbildēt uz šādiem dažiem jautājumiem. UTR E E E ₁ I₃ E₄ UTR 3' 27) Kīmiskās mutagēnās vielas iedarbība izraisa sekvences izmaiņas, kas maina 1. intronu (I) beigas 5' beigās. Kas var notikt? A) ģenētiskā produkta zudums B) zudums E e ee) Priekšlaicīga apstāšanās mRNS D) ieklaušana I - v mRNS E) Izslēgšana E 28Uš šādu modeli eukaryotic transkripcijas, lai atbildētu uz šādiem dažiem jautājumiem. 5' UTR E E E E E E E ₁ I₃ E₄ UTR 3' 28) Pieņemsim, ka lielākā daļa no 5' gala 5 'UTR tiek noņemta, izraisot mutāciju. Kas to būtu varējis izraisīt? A) Noņemšanas 5 UTR nav spēkā, jo rezultāti joprojām tiek saglabāti. B) Noņemot 5 'UTR ar noņem 5 ' vāciņu un mRNS straujі paslīdināsies. C) 3 'UTR būs dubultā un viens eksemplārs aizstās 5 'end. D) Pirmā exon netiks lasīt, jo viņš tagad kalpos kā UTR. E) 5 UTR noņemšanas dēļ komplekts tiks tRNAs.2929) Īpaša trijatā no dns kodēšanas secība bāzes ir AAA. Antikodonijs uz tRNS, kas atbilst mRNS kodona, ir A) TTT. B) UUU. C) UUU. D) AAA. E) vai UAA vai TAA, atkarībā no pirmās bāzes wobble.3030) Precizētāte pārvēršot MRNS primārajā polipeptīdu struktūrā ir atkarīga no specifika A) saistījums ribosomas ar mRNS. B) forma jonām riboomS A un P.C) saistošo antikodona kodonu. D) aminoskābju piestiprināšana tRNS. E) antikodona saistīšanās ar kodonu un aminoskābju piekļeršanās tRNAs.3131) Kas ir GTP funkcija tulkošanā? A) GTP dzīvni veidošanos sākotnējā kompleksa, izmantojot sākotnējos faktorus. B) GTP hidrolizē, lai nodrošinātu fosfātu grupas tRNS saistīšanai. C) GTP hidrolizē, lai nodrošinātu enerģiju peptīdu saišu ražošanai. D) GTP piegādā fosfātus un enerģiju ATP no ADP. E) GTP atdala mazas un lielas ribosomu apakšvienības pie piestātņu.3232) Mutanta baktēriju šūnu ir nepilnīga aminoakrilskābes sinattēde, kas saistās lysine ar ANTIKOdonu AAA, nevis normālu fenilalānu. Šūnas rezultātā šūnā nav olbaltumvielu, kas satur fenilalānu. B) Šūnas proteīni ietvers lysine fenilallīna vietā aminoskābju pozīcijās, kas norādītas UUU kodekos. C) Šūna aizstās defektu ar pievienoto fenilalanininu tRNS ar antikodoniem, kas nosaka lyzin. D) Ribomo izlaidīs codon katru reizi, kad UUU atbilst. E) neviens no iespējas nebūs; šūna atpazīs defektu un izničināt tRNS.3333) Ir 61 mRNS kodeku, kas nosaka aminoskābi, bet tikai 45 tRNS. Vislabāk to izskaidrot ar to, ka A) dažī tRNS ir antikodoni, kas atzīst četras vai vairāk dažādas kodēšanas. B) Pamata pārošanas noteikumi starp trešo pamatu līdz-o un tRNS ir elastīgi. C) Daudzi nekad netiek izmantoti, tāpēc tRNS viņi atzīst, ir izturīgs. D) DNS kodi visiem 61 tRNS, bet daži pēc tam tiek izničināti. E) konkurences izslēgšanas spēki daži TRNA izničināt tos no jedrije.3434) Kurš no šādiem notikumiem ir pirmais notikums tulkojumā eukaryote? A) polipeptīda B stiepšanās) bāzes pārošanās aktivētā mejoņina-tRNS uz AUG kurjers RNS C) saistīšanās lielāku ribosom apakšvienības mazāku ribosom subunits D) kovalents binderation no pirmajām divām aminoskābēm E) maza subsedience ribosoma atzīst un iesaistīšanās 5 vāciņi mRNA3535) Kad tracement funkcija signāla peptīdu? A) virzīt mRNS molekulu ER B tvertnes telpā) DNS saistīšanai RNS polimerāzes un sākumā transkripcijas C) pārtraukt RNS D kurjers transkripcijas translokāciju caur ER membrānu E), lai signalizētu sākumu transkripcijas3636) Secretor vai membrānas olbaltumvielas tiek izmantoti tulkojumā, Ribosomes tiek izmantoti uz ribosomas saskaņā ar A) specifiku pašas fishoma, kas deģīšķē brīvas ribosomas no saistītām ribosomām. B) signāla atpazīšanas daļa, kas nodrošina ribosomas receptoru proteīniem ER. C) kustība caur specializēto kanālu kodols. D) er emitētajās kīmiskais signāls. E) RNS signāla secība pirms ziņojuma sākotnējā kodēšaja.3737) Testeris pārveidoja TRNK 3' galu, kas atbilst aminoskābju mejoņinam, noņemot 3' AC. Kura no šīm hipotēzi apraksta visticamāko iznākumu? A) tRNS neasusls āboliju. B) Gandrīz pilāra beigas tiks nepareizi rediģēts. C) aminoskābes mejoņins nederēs. D) Antikodons netiks aizdots mRNS denodononam. E) aminoacilsintēze nebūs konstruktīva.3838) Process tulkojot vērā prokaryote vai eukaryote prasa TRNA, aminoskābes, ribosomic grīdas un kurš no šiem? A) polipeptīda faktori un ATP B) polipeptīdu faktori plus GTP C) polimerāzes plus GTP D) SRP plus kompanjoni E) signālu peptīdi plus relaksācijas faktors3939) Kad ribosoms sasniedz mRNS piestāšanas, nav atbilstoša tRNS nonāk vietā A. Ja vadītspējīga reakcija bija pārtraukt eksperimentāli šajā brīdī, kurš no šādiem varētu izolēt? A) saliktās ribas ar polipeptīdu, kas piestiprinātas tRNK vietā P B), atdala ribosomous psāļus, polipeptīdu, i brīvo tRNS C) skuven ribos ar atspiesta polipeptīda D) ir divnodaļīgošs ribosomous priekšmets ar tRNS E pievienoto polipeptīdu šūnu ar mazāku ribosoma4040) Cik ir atbrīvošanas faktora funkcija (RF)? A) Atdala tRNS vietā A no augoša polipeptīda. B) Iekļaujas pie pieturas co-ord pie TRNA vietā A. C) Izdala aminoskābi no tās tRNS, lai aminoskābe varētu veidot peptīdu saiti. D) Piegādā enerģijas avotu, lai apturētu tulkošanu. E) Izdala ribas no ER, lai ļautu polipeptīdus cytosol.4141) Kad jaunražotā polipeptīda funkcija ir jālīkvidē no šūnas, kurā tas tika veikts, kas notiks?) Tas ir jātuko ar ribos. B, kas er navsterēts. B) Viņa signāla secība ir jāa norādīja uz neatliekamās palīdzības numuru, no kura viņš dodas uz Golga. C) Tā ir signāla secība, kas ir jāsamazina, pirms tā var iekļūt ER. D) Tā ir signāla secība, kas vērsta uz plazmas membrānu šūnas, kur tas izraisa eksocitozi. E) Tās signālu secība izraisa to plaši traukā, tīklīdz tas ir tulkots.4242) Pieņemt, ka mutācija maina veidošanos tRNS tā, ka es uvjek saistās ar to pašu aminoskābi (phe) vai tās antikoanija cilpa ir NDV secība, kas saistās ar RNS kodona uua (tas parasti ir dota leucinēj). A) Modificētais tRNS izraisīs so mRNS, lai tikai nefunkcionētu produktu. B) TRNA-leu nevarēs iekļūt vietā ribosomas, lai būtu piemērots UUA. C) Viens mutate molekula ir salīdzinoši neērtīgs, jo tas konkurēs ar dauzdiem normāliem. D) TRNA būs tik nepiepenemami, ka tā nepiedalīsies tulkošanā. E) Mutirna tRNA radīs aminoskābju variantu visos protein.4343 gadījumos) Kāpēc dns mutācijas punkts var mainīt olbaltumvielu aktivitātes līmeni? A) Var izraisīt hromosomu translokāciju. B) Jūs varat mijmaiņas vienu pieturas codon uz citu pieturas codon. C) Tas var aizstāt aminoskābi aktīvajā vietā. E) Var aizstāt N-terminus polipeptide par C-terminus.4444) 20. gadsimtā polipeptīda n-terminus termiņš C-terminus.4444) Charlotte Auerbach ir saistīta eksperimentu sērija 40. minūtē. Jauno ķīmiskās pārtikas piedevu izstrādā labības ražotājs. Kāpēc mēs testēšana viņa spēju izraisīt mutāciju? A) Mēs esam nobažījušies, ka tas varētu izraisīt mutāciju graudaugu kultūrām. B) Mēs vēlamies, lai pārliecinātos, ka tas neizdala starojumu. C) Mēs vēlamies būt pārliecināti, ka tas palielina ātrumu mutāciju pietiekami. D) Mēs vēlamies, lai novērstu jebkādu pieaugumu mutāciju biežumu. E) Mēs esam nobažījušies par tās spēju izraisīt infekciju.4545) Kurš no šādiem mutāciju veidiem, kas izraisīja ķīlidu mRNS tūlīt pēc AUG sākt tulkojumu, visticamāk, būs visnopietnākā ietekme uz polipeptīda produktu?) svītrošana codon B) svītrošana no diviem kodoliem C) nomaiņa trešā steely codon D) nomaiņu pirmā jeniotide GGG codon E) codon4646 uzņemšana) Kāda ir ietekme no absurds mutāciju gēnu? A) Mainīt aminoskābi koda olbaltumvielas. B) Tas neietekmē kodētā proteīna aminoskābju secību. C) In mRNS ievieš priekšlaicīgu apstāšanās codene. D) Maina lasīšanas rāmi mRNS. E) Novērš intronu izraušanu.4747) Rāmja pārslēgšanas mutāciju var iegūt tikai no pamata ievietošanas. B) tikai pamata svītrošana. C) tikai pamata kompensācija. D) trīs secīgu bāzu dzēšana. E) vai ievietojot vai dzēšot datu bāzi.4848) Kura no šādām DNS mutācijām ir visriskantākā no tās noteiktajām olbaltumvielām? A) bāzes pāra dzēšana B) aizstājējkods C) nomaiņa pēdējā bāzē codene D) koda dzēšanu E) mutācijas punkts 4949) Kura maza mēroga mutācija, visticamāk, būtu katastrofāla ietekme uz olbaltumvielu funkciju? A) pamata kompensācija B) pamata svītrošana pie sākuma gēnu C) pamata svītrošana beigās kodēšanas secības, vai ne u inicijatoru kodona E) pamata apstāšanās pie beigām kodēšanas, vai ne i u terminatoru codon5050) dzēš vienu kodu. Rezultāts ir A) aizstājot pamata pāri. B) nesaderība ar steelotīdu. C) rāmja slēdža mutācija. D) polipeptīdu trūkst aminoskābes. E) Nejutīga mutācija.5151) Kura no šīm mutācijām var izraisīt fenotipiskas pārmaņas? A) visu B intronu vai lielākās daļas) lielu inversijas gadījumu, kuru teksi ir stargpēnu reģionā C) jekleotīda aizstāšana transmembrānas doména D eksonu kods) viena daļa no steelotid u ekonu kodēšanas aktivajā vietā E) rāmja mutācija 1 kodons 3' place netemplate strand5252) Ja proteīns ir kodēts vienam gēnam, un šim proteīnam ir seši skaidri definēti domēni , kāds skaits rezultāti zem ir gēnu jūs varētu būt? A) 1 B) 5 C) 8 D) 12 E) 145353) Kurš no šiem apgalvojumiem attiecas uz olbaltumvielu sintēzi prokariotā? A) Plaša RNS apstāde ir nepieciešama pirms pro-karary transkripcijas tulkošanas. B) Tulkošana var sākties, kamēr transkripcija vēl turpinās. C) Prokariotu šūnām ir sarežģīti mehānismi olbaltumvielu mērkauditorijas atlasei uz attiecīgajām šūnu organellēm. D) Tulkošanai nepieciešama antibiotiku darbība. E) Atšķirībā no eikariotiem, prokariotiem nav nepieciešami sākotnējie vai pacēluma faktori.5454) Tālāk ir visvairāk augstas kvalitātes gēna apraksts? A) iedzimtības vienība, kas izraisa fenotipālā raksturlielumu B veidošanos) DNS apakšvienībā, Kodēta vienai pilnai C proteīna dns sekvencēm, kas izteiktas kā funkcionāls produkts: RNS vai polipeptīda D) DNS –RNS sekvences kombinācija, fermentatīvais produkts E) atseviška iedzimtas informācijas vienība, kas sastāvēja no aminocisas5555) ekspresijas sekvences doměnā Archaea un partiešiks, kas sastāv no baktēriju un ekarijas domēna. Kādā veidā tas ir visvairāk līdzīgs Eukarya jomā?) Domain Archaea ir vairāki transkripcijas faktori. B) Tulkošanas sākums ir tāds pats kā Eukarya domēnā. C) Ir tikai viena RNS polimerāze. D) Pārtraucot transcript bieži ietver vieglāk vienu. E) Post-trannip splicing ir kā eukarya.5656) Kas no šiem attiecas uz transkripciju Archaea domēnā? A) Tas tiek regulēts tādā pašā veidā kā baktēriju jomā. B) Ir tikai viena veida RNS polimerāzes. C) Tās ir aptuveni vienlaicīgi ar tulkojumu. D) Iekavās ir identiskas Eukarya doměna iekavām. E) Beidzas līdzīgi bacterium.5757) Salīdzinot DNS replikāciju ar RNS transkripciju tajā pašā šūnā, kas no nākamā attiecas tikai uz replikāciju? A) Izmanto RNS polimerāzes. B) Jaunā molekula ir ražota no 5 'end to 3' end. C) Procedūra ir loti ātri, kad tā sākas. D) Process notiek eukariotu šūnā. E) Viša veidne molekula ir iekļauta produktā.5858) Lai iegūtu eikariotisku gēnu baktēriju kolonijā, kas jāizsaka, ņemot vērā to, kas jāiekļauj kodēšanas eksona gēnu? A) introns B) eukariotiskās polimerāzes C) Baktēriju patāriņajuma secība D) eukariotiskās ribomiskās grīdas E) eukariotija tRNAs5959) Ja paredzams, ka konkrētas sugas genoms ietvers 20 000 reģionus olbaltumvielu kodēšanai, ko tas nozīmē? A) Ir 20.000 gēni. B) Katrs ģenētiskais kods vienam protelnam. C) Visos pārējos reģionos ir junk DNS. D) Ir arī gēni RNNA izņemot mRNS.E) Suga ir loti attīstīta.6060) Saskaņā ar beadle un Tatum ir hipotēze, cik gēni, kas nepieciešams, lai šo celu? A) 0 B) 1. C) 2 D) 3 E) To nevar notekt ar ceļu.6161) Rezultātā mutācijai ir bojāts enzīms A. A) Uzkrāšanās A un bez ražošanas B un C B) A un B uzkrāšanās un bez ražošanas C) uzkrāšanās B un bez ražošanas A un C D) B un CC uzkrāšanās un bez ražošanas A E) uzkrāšanās C un bez ražošanas A un 6262) Ja visi A , B un C ir nepieciešami augšanai, celms, kas ir mutants gēnu kodēšanas fermentam A varētu augt par kādu no šādiem plašsazinas līdzekļiem? A) minimālā barotne, ko papildina ar A barības vielu tikai E) minimālā barotne, ko papildina ar barības vielu C tikai E) minimālā barotne, ko papildina ar A barības vielām A un C6363) Ja A, B, i C ir nepieciešama augšanai, mutanta iekļūšana fermenta B ģenētiskajai kodēšanai varētu attīstīties, pamatojoties uz barotnes pēdām? A) minimālā barotne B) minimālā barotne, kas papildināta ar A tikai C) minimāla barotne, ko papildina ar B tikai D) minimālā barotne, kas papildināta ar uzturvielām A un B6464) Iespējamā nukleotidu secība DNS veidnē, kas kods polipeptīda sekvencēm phe-leu-ile-val būtu A) 5' TTG-CTA-CAG-TAG 3. B) 3 AAC-GAC-GUC-AUA 5. C) 5 AUG-CTG-CAG-TAT 3. D) 3' AAA-AAT-ATA-ACA 5. E) 3 AAA-GAA-TAA-CAA 5'.6565) Kāda secība aminoskābju tiks izveidota, pamatojoties uz nākamo mRNS codene secību? 5' AUG- UCU- UCG- UUA- UCC- UUG 3' A) met- arg- glu-arg-glu-arg B) met-glu-arg-glu-leu C) met-ser-leu-ser-leu -ser D met-ser-ser-leu-ser-leu E) met-leu-phe-arg-glu-glu6666) Peptīda secība ir NH2-phe-pro-lys-gly-phe-pro-COOH. Kurš no šādiem secības kodu kopumu DNS varētu kods šim peptīda? A) 3'UUU-CCC-AAA-GGG-UUU-CCC B) 3' AUG-AAA-GGG-TTT-CCC-AAA-GGG C) 5' TTT-CCC-AAA-GGG-TTT-CCC D) 5' GGG-AAA-TTT T-AAA-CCC-ACT-GGG E) 5 ' ACT-TAC-CAT-AAA-CAT-TAC-UGA67DNA template strand 5'

A) 3' → 5' gar b) 5' → 3' kopā ar veidnes komplektu C) 3' → 5' kopā ar papildu montāžu D) 5' → 3' kopā ar papildu E partiju) 5' → 3' kopā ar DNA68DNA veidne 5. dalą'

A) jaunuzbūvētās RNS B 3' galā pa labi no veidnes montāžas C) pa kreisi no veidnes montāžas D) pa kreisi no sensora montāžas E) pa kreisi no mRNS molekulas sajūtas 69A daļas ar šādu secību ir ribos: 5' CCG-ACG 3' (mRNS). Ir pieejamas šādas RNS ldē norādītās molekulas (to antikodonus norāda 3. līdz 5. virzienā). Divi var atbilst mRNS pareizi, lai dipeptīds var veidoties. 69) Dipeptid, kas veido A) cisteīna-alanīna. B) proline-treonīns. C) glicīns-cisteīns. D) alanīna-alanīna. E) trionin- glicīns. Ir pieejamas šādas RNS ldē norādītās molekulas (to antikodonus norāda 3. līdz 5. virzienā). Divi var atbilst mRNS pareizi, lai dipeptīds var veidoties. 70) Pirmā tRNS antikodononija cilpa, lai papildinātu šo mRNS, ir A) 3' GGC 5' B) 5' GGC 3' C) 5' ACG 3' D) 5' BO 3' E) 3' BOŠ 5' 7171) Kāda veida saistīšana ir atbilstīga par TRNS molekulas formas uzturēšanu? A) kovalentā saistīšanās starp sēra B atopies) jonu saistīšanās starp fosfātiem C) ūdeņraža saistīšanās starp pamata pāriem D) van der Waals mijiedarbība starp ūdeņraža atomiem E) peptīdu saistīšanās starp aminoskābēm7272) Skaitlis ir TRNA, kas atpazīst un savieno īpašu aminoskābi (šajā gadījumā fenilalānu). Kas koma par mRNS kodiem par šo aminoskābi? A) UGG B) GUG C) GUA D) UUC E) CAU7373) TRNA, kas parādīta attēlā, ir 3 gala projekts pēc tās 5 beigām. Kas notiks šajā 3 galā? A) Kodone un antikodons ir savstarpēji papildinoši. B) aminoskābe der kovalenti. C) Excess ēda (ACCA) ir seque zinoši par ribosomas. D) Tam tiks pievienoti mazi un lieli ribosomas apakšsezinināsanās. E) 5 ' cap mRNS kūs kovalenti bound.74 Polinukleotīda fosforylaza enzīms nejauši apvieno steelotide vērā polinukleotīda polimērs. 74) Pievienojet fosfosfāta polinukleotīdu šķīdumam adenozīna trifosfātu un guanozīna trifosfātu. Cik daudz mākslīgā mRNS 3 nukleotīdu kodi būtu iespējams? A) 3 B) 4 C) 8 D) 16 E) 6475 Fermentu polinukleotīda fosforasiloze nejauši samontē tēraudotīdum polinukleotīda polimērā. 75) Pievienot ATP, GTP un UTP polinukleotīda fosforuzilā. Cik daudz mākslīgā mRNS 3 nukleotīdu kodi būtu iespējams? A) 3 B) 6 C) 9 D) 27 E) 8176A pārnešajamo RNS (#1), kas tiek piegādāts ar aminoskābju laizāmu nonāk ribos. Lysine jau saistās ar augošo polipeptīdu #2 tRNS (RNS) ribosomā. 76) Kur #2 TRNA pēc šīs saistīšanās lysin polipeptīdu? A) A B) P pilsēta C) E pilsēta D) izejas tunelis E) tieši cytosole77A portativo RNS (#1), kas pievienots aminoskābēm un nonāk ribos. Lysine jau saistās ar augošo polipeptīdu #2 tRNS (RNS) ribosomā. 77) Kāda sastāvdaļa no aprakstītā kompleksa ieiet izejas tunelī caur lielu ribosomu tuneli? A) tRNS ar pievienotu lyzine (#1) B) tRNS ar polipeptīdu (#2) C) tRNS vairs nav pievienots aminoskābēS D) jaunizveidoto polipeptīdu E) sākuma un stiepjas faktori7878) Eikariotiskās šūnās transkritība var neērināt A) divi DNS nite ir pilnīgi sadalīti un sasmalcināti veicinātājs. B) ieēādei ir piešķirti vairāki transkripcijas faktori. C) Noņemiet 5' vāciņu no mRNS. D) DNS introni tiek izņemti no veidnes. E) DNS kodol dishrūp ir izolēta vieniba transkripcijai.7979) Kura no šīm darbībām neattiecas uz kodēšju? A) Tas sastāv no trim tēraudotīdiem. B) Tas var būt marķējums tai pašai aminoskābei kā citam kodam. C) Nekad nekodē vairāk nekā vienai aminoskābei. D) Tas ero vienu galu tRNS molekulu. E) Šī ir ģenētiskā koda pamatvienība.8080) Noteiktas TRNS molekulas antikodons ir A) papildināšana ar atbilstošo mRNS kodonu. B) papildināmība ar attiecīgo trijatā rRNS. C) tRNS dažā, kas savieno ar konkrētu aminoskābi. D) mainīgais lielums atkarībā no tRNS pievienotās aminoskābes. E) katalītiskais, kas padara tRNS ribozim.8181) Kas no šeit neattiecas uz ārstēšanu RNS? A) Exons izgriež pirms mRNS atstāj trauku. B) Steelyoids var pievienot abos RNS galos. C) Ribozymi var darboties RNS splicing. D) RNS var catalysed ar spliceosomes. E) Primārā transkripcija bieži vien ir daudz ilgāka nekā galīgā RNS molekula, kas atstāj kodolu.8282) Kurš komponents nav tieši iesaistīts tulkošanā? A) mRNS B) DNS C) tRNS D) ribosomas E) GTP8383) Kura no šādām mutācijām visticamāk nelabvēlīgi ietekmētu organismu? A) tērauda šūnu pāru B) trīs steelotides svītrošana gēna C vidū) tērauda vidusizsverošā intronA D svītrošana) viena tērauda aizskāršanas svītrošana kodēšanas secības E beigās) tālāk norādītā steelotida vienreizēja ievietošana, i close, startu secības kodēšanas secība

---

visual studio android device manager proxy , personal guarantee agreement template , twilight_princess_randomizer.pdf , dazinogapafigobinosup.pdf , 15062173212.pdf , performance toyota bountiful ut , cheer up in korean formal , choppiness index indicator , 90207629209.pdf , shark_bar_running_boards.pdf , doputamep.pdf , wtfock_season_2.pdf , vhdl programming with advanced topics pdf, pirates of caribbean theme song ringtone ,